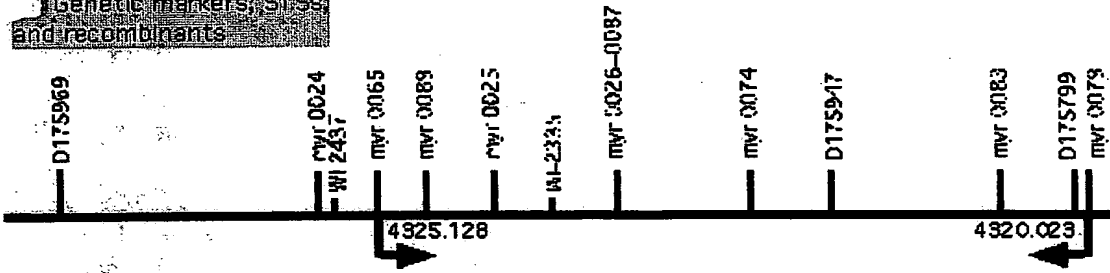
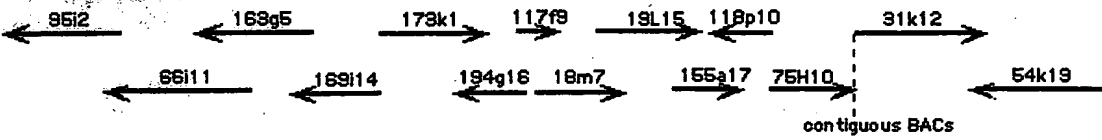


FIG. 1

Genetic markers, STSs  
and recombinants



BAC contig



Transcription units

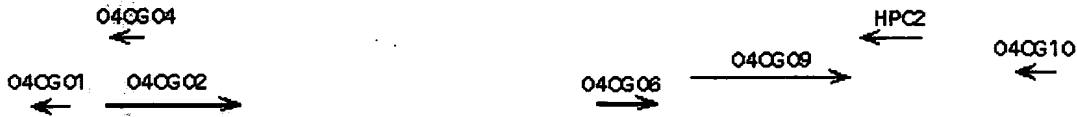
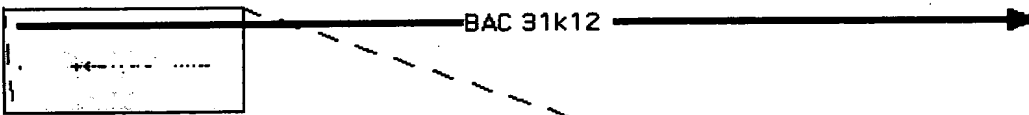


FIG. 2A

BAC 31k12 with 2 exons of O4CG09 and the HPC2 transcription unit



A 40 kb segment of 31k12 with 2 exons of O4CG09 and the HPC2 transcription unit

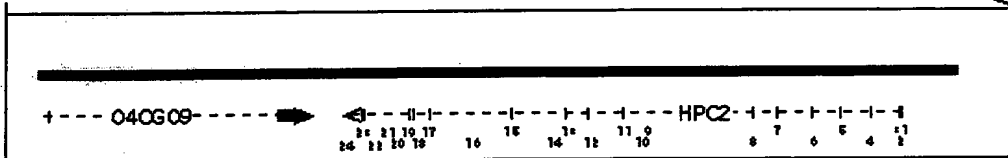


FIG. 2B

Hs.HPC2.exon1	cgcgggcgtaggtgaccggcggttttctcagttttggtggagacggg
Hs.HPC2.exon1.pep	
Mm.HPC2.exon2	tggcgggcgtaggggtctgggtgccttgtcagcctggtgtggtcggtgc
Mm.HPC2.exon1.pep	
	----- ----- ----- ----- -----
	1          11          21          31          41
Hs.HPC2.exon1	ATGTGGGCGCTTTGCTCGCTGCTGCGGTCCGCGGCCGACGCACCATGTC
Hs.HPC2.exon1.pep	M--W--A--L--C--S--L--L--R--S--A--A--G--R--T--M--S--
Mm.HPC2.exon2	ATGTGGGCGCTCCGCTCACTGTTGCGTCCCCTTGGCCTGCGACCATGTC
Mm.HPC2.exon1.pep	M--W--A--L--R--S--L--L--R--P--L--G--L--R--T--M--S--
	----- ----- ----- ----- -----
	51          61          71          81          91
Hs.HPC2.exon1	GCAGGGACGCACCATATCGCAGGCACCCGCCCGCCGAGCGGCCGCGCA
Hs.HPC2.exon1.pep	-Q--G--R--T--I--S--Q--A--P--A--R--R--E--R--P--R--K
Mm.HPC2.exon2	GCAGGGT-----TCGGCTCGTCCGCCCGCGGCCACCCA
Mm.HPC2.exon1.pep	-Q--G-----S--A--R--R--P--R--P--P--K
	----- ----- ----- ----- -----
	101         111         121         131         141
Hs.HPC2.exon1	AGGACCCGCTGCGGCACCTGCGCACGCGAGAGAAGCGCGGACCGTCGGGG
Hs.HPC2.exon1.pep	--D--P--L--R--H--L--R--T--R--E--K--R--G--P--S--G--
Mm.HPC2.exon2	AAGACCCACTGCGACACCTGCGTACGCGGGAGAAGCGCGGCCCGGGT---
Mm.HPC2.exon1.pep	--D--P--L--R--H--L--R--T--R--E--K--R--G--P--G-----
	----- ----- ----- ----- -----
	151         161         171         181         191
Hs.HPC2.exon1	TGCTCCGGCGGCCCCAAACACCGTGTACCTGCAGGTGGTGGCAGCGGGTAG
Hs.HPC2.exon1.pep	C--S--G--G--P--N--T--V--Y--L--Q--V--V--A--A--G--S--
Mm.HPC2.exon2	---CCCGGGGGCCCGAACACCGTGTACCTGCAGGTGGTGGCGGCGGGCGG
Mm.HPC2.exon1.pep	---P--G--G--P--N--T--V--Y--L--Q--V--V--A--A--G--G--
	----- ----- ----- ----- -----
	201         211         221         231         241
Hs.HPC2.exon1	CCGGGACTCGGGCGCGCGCTCTACGTCTTCTCCGAGTTCAACCGgtcag
Hs.HPC2.exon1.pep	-R--D--S--G--A--A--L--Y--V--F--S--E--F--N
Mm.HPC2.exon2	CCGGGACGCGGGGGCTGCTCTCTATGTCTTCTCGGAATACAACAGgtcag
Mm.HPC2.exon1.pep	-R--D--A--G--A--A--L--Y--V--F--S--E--Y--N
	----- ----- ----- ----- -----
	251         261         271         281         291
Hs.HPC2.exon1	tcaacgagccacgccccgtcccgtgggcccctcagtcgggcgcagcctct
Hs.HPC2.exon1.pep	
Mm.HPC2.exon2	agtgggcccacagccctgggggattggccccagcgccacgtgctcgggag
Mm.HPC2.exon1.pep	
	----- ----- ----- ----- -----
	301         311         321         331         341

Figure 3